

ОТЗЫВ

на автореферат диссертации Е.В. Кобозевой "Видовая специфичность и таксономические взаимоотношения StY-геномной группы рода *Elymus* L. Азиатской России", представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальностям 03.02.01 - "Ботаника" и 03.02.07 - "Генетика"

Рецензируемая работа посвящена изучению таксономических взаимоотношений и уровней родства StY-геномных видов рода *Elymus* L. Род *Elymus* принадлежит семейству *Poaceae* Barnh. трибы *Triticeae* Dum. Это самый крупный род семейства *Poaceae*, объединяющий от 150 до 200 полиплоидных видов многолетних трав. В России наибольшее число видов рода распространено в Сибири и на Дальнем Востоке. Свойственные роду фенотипическая пластичность и процессы гибридизации затрудняют идентификацию таксонов. Многолетние злаки трибы *Triticeae* являются резервом для обогащения культурных злаков признаками устойчивости к неблагоприятным условиям среды и болезням. Вместе с тем, сведения об их видовом составе, филогении, репродуктивных отношениях весьма ограничены, что осложняет сохранение и рациональное использование генофонда рода *Elymus*. Так, в отличие от SH- и SHY-геномных видов рода, SY-геномная группа до сих пор не изучалась. Это определяет актуальность и важность представленных в настоящей работе исследований.

Для биосистематического изучения StY-геномных видов рода *Elymus* использован комплексный подход, включающий анализ морфологической и генетической изменчивости, а также анализ репродуктивных взаимоотношений видов. Для изучения генетической дифференциации применяли электрофоретический анализ белков эндоспермов и метод изучения межмикросателлитного генетического полиморфизма. Применение комплексного методического подхода составляет сильную сторону исследования, обеспечивая надёжность полученных выводов. Впервые с использованием ряда методов изучены взаимоотношения видов из различных секций рода *Elymus*. У изучаемой группы выявлены морфологические признаки, которые могут быть использованы в таксономии. Показано генетическое единство близкородственных видов и вариабельность многих диагностических признаков. Полученные результаты позволили выделить StY-геномную группу видов в отдельную секцию и построить её систему. Также выделена одна новая секция и одна подсекция.

Проведенные исследования выполнены на высоком методическом уровне. Полученные данные обработаны с помощью компьютерных программ, их достоверность не вызывает сомнений. Основные результаты представлены в 14 опубликованных работах, докладывались на российских и международных конференциях.

На основании изложенного считаю, что диссертационная работа Е.В. Кобозевой отвечает требованиям, предъявляемым к кандидатским диссертациям, а ее автор несомненно заслуживает присуждения ученой степени кандидата биологических наук по специальностям 03.02.01 – "Ботаника" и 03.02.07 – "Генетика".

Руководитель сектора молекулярной генетики растений
Биологического института ДВО РАН, к.б.н.

Реунова Г.Д.

